Pracownia Analityczna „ ANALIZY”

ul.św. Katarzyny 5

31-063 Kraków

**CENNIK BADAŃ GENETYCZNYCH**

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Diagnostyka chorób i predyspozycji genetycznych** | | | | | | | | | | | | |
| POJEDYNCZE BADANIA | | | | | | | | | | | | |
| **Lp.** | **Nazwa badania** | **Metoda** | | | | | **Cena** | **Cazs realizacji** | | | **Rodzaj materiału** | |
| 901 | **Mukowiscydoza-** analiza 9 mutacji genu **CFTR** | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 300 | | | 10 | | | krew EDTA, wymaz z policzka |
| 902 | Genetyczne predyspozycje do **raka piersi i jajnika** – analiza 5 mutacji genu **BRCA1** najczęstszych w populacji polskiej | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 300 | | | 10 | | |
| 915 | Genetyczne predyspozycje do **raka piersi i jajnika** – analiza mutacji genu **BRCA2** | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 250 | | | 10 | | |
| 916 | Genetyczne predyspozycje do **raka piersi i prostaty** – analiza mutacji genu **NBS1 ( NBN )** | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 250 | | | 10 | | |
| 917 | Genetyczna predyspozycja wielonarządowa do nowotworów : **piersi, jajnika, jelita grubego, płuca** – analiza mutacji genu **NOD2** | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 250 | | | 10 | | |
| 918 | Genetyczna predyspozycja wielonarządowa do nowotworów : **piersi, jelita grubego, prostaty, tarczycy, nerki** – analiza mutacji genu **CHEK2** | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 250 | | | 10 | | |
| 919 | Genetyczna predyspozycja wielonarządowa do nowotworów: **skóry ( czerniak ), trzustki, piersi, jelita grubego, płuc** – analiza mutacji genu **CDKN2A ( p16 )** | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 250 | | | 10 | | |
| 920 | Genetyczna predyspozycja wielonarządowa do nowotworów : **piersi, jelita grubego, pęcherza moczowego, płuca, krtani** – analiza mutacji genu **CYP1B1** | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 250 | | | 10 | | |
| 903 | **Genetyczne predyspozycje do choroby Alzheimera i miażdżycy** – genotypowanie **ApoE** | PCR | | | | 300 | | | 10 | | |
| 905 | **Cukrzyca wrodzona** – analiza mutacji genu **KCNJ11** | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 250 | | | 10 | | |
| 908 | **Choroba zakrzepowo-zatorowa** – mutacja **Leiden czynnika V genu F5** ( R506Q ) | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 250 | | | 10 | | |
| 909 | Genetyczna predyspozycja do **rdzeniastego raka tarczycy** – analiza 16 mutacji genu **RET** | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 650 | | | 10 | | |
| 911 | **Choroba zakrzepowo-zatorowa** – mutacja genu **protrombiny F2** ( G20210A ) | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 250 | | | 10 | | |
| 912 | **Wady cewy nerwowej i choroba zakrzepowo-zatorowa** – analiza polimorfizmu genu **MTHFR** ( C677T oraz A1289C ) | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 250 | | | 10 | | |
| 913 | Diagnostyka **policytemii, trombocytemii i mielofibrozy** – analiza mutacji somatycznej p. V617F ( G1849T ) genu **JAK2** | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 250 | | | 10 | | | krew EDTA |
| 923 | Genetyczna predyspozycja do **pierwotnej nietolerancji laktozy ( typu dorosłego )** – badanie polimorfizmu 13910 genu **LCT** ( laktaza ) | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 360 | | | 10 | | | krew EDTA, wymaz z policzka |
| 924 | Genotypowanie **interleukiny 28B** w leczeniu wirusowego zapalenia wątroby typu C ( rs 12979860 oraz rs8099917 ) | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 600 | | | 10 | | |
| 925 | Genotypowanie **interleukiny 28B** w leczeniu wirusowego zapalenia wątroby typu C ( polimorfizm rs 12979860 ) | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 350 | | | 10 | | |
| 926 | Genotypowanie **interleukiny 28B** w leczeniu wirusowego zapalenia wątroby typu C ( polimorfizm rs8099917 ) | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 350 | | | 10 | | |
| 928 | **Celiakia** – identyfikacja **haplotypów HLA-DQ2 i HLA-DQ8** | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 500 | | | 14 | | |
| PANELE BADAŃ | | | | | | | | | | | | |
| 981 | **Panel predyspozycji do genetycznie uwarunkowanych chorób zakrzepowo-zatorowych** : mutacja genu **protrombiny F2**( G20210A ), **czynnika V Leiden F5** ( R506Q ), polimorfizmu genu **MTHFR** ( C677T orazA1289C ) | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 520 | | | 14 | | | krew EDTA, wymaz z policzka |
| 914 | **Panel predyspozycji genetycznych do raka piersi i jajnika** - analiza 15 mutacji w 7 genach **( BRCA1, BRCA2, NBS1, NOD2, CHEK2, CDKN2A, CYP1B1 )** | PCR/ sekwencjonowanie | | | | 900 | | | 14 | | |
| 921 | **Panel predyspozycji genetycznych w kierunku dziedzicznego raka jelita grubego niezwiązanego z polipowatością** ( zespół Lyncha, HNPCC ) analiza 169 mutacji w 5 genach **( MLH1, MSH2, MSH6, NOD2, CHEK2 )** | mikromacierze  DNA/ sekwencjonowanie | | | | 1 980 | | | 21 | | |
| 922 | **Panel predyspozycji genetycznych w kierunku raka prostaty** (gruczołu krokowego ) – analiza 17 mutacji w 6 genach **(RNASEL, ELAC2, MSR1, NBS1, BRCA1, CHEK2 )** | mikromacierze  DNA/ sekwencjonowanie | | | | 1 800 | | | 21 | | |
| **Diagnostyka predyspozycji genetycznych do nowotworów- sekwencjonowanie następnej generacji ( NGS )** | | | | | | | | | | | | |
| **Lp.** | **Nazwa badania** | | | **Metoda** | **Cena** | | | | | **Czas realizacji** | | **Rodzaj materiału** |
| 801 | **Panel nowotworowy DLA NIEJ** - panel predyspozycji genetycznych do nowotworów: **piersi, jajnika, jelita grubego, płuc** – analiza 70 genów | | NGS | | | 3 190 | | | 30 | | | krew EDTA, wymaz z policzka |
| 802 | **Panel nowotworowy DLA NIEGO** – panel predyspozycji genetycznych do nowotworów : **prostaty, jąder, jelita grubego, płuc** – analiza 97 genów | | NGS | | | 3 190 | | | 30 | | |
| 803 | **Panel nowotworowy 170 PLUS** – panel predyspozycji genetycznych do nowotworów **: prostaty, piersi, jelita grubego, układu krwiotwórczego, nerek, płuc, skóry, przełyku, jamy nosowo-gardłowej, trzustki, pęcherza moczowego, tarczycy, centralnego układu nerwowego, jajnika, jądra, żołądka, kości, gammopatie monoklonalne, rak wątrobowokomórkowy, chłoniak grudkowy, toczeń rumieniowaty** – analiza 170 genów | | NGS | | | 3 850 | | | 30 | | |
| 804 | **Rak gruczołu krokowego ( prostaty )** – analiza 54 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 970 | | | 30 | | |
| 805 | **Rak piersi –** analiza 28 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 860 | | | 30 | | |
| 806 | **Rak jelita grubego** - analiza 24 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 860 | | | 30 | | |
| 807 | **Nowotwory układu krwiotwórczego** – analiza 24 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 860 | | | 30 | | |
| 808 | **Nowotwory nerki** – analiza 16 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 860 | | | 30 | | |
| 809 | **Rak płuc**- analiza 13 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 750 | | | 30 | | |
| 810 | **Nowotwory skóry-** analiza 10 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 750 | | | 30 | | |
| 811 | **Nowotwory przełyku-** analiza 10 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 750 | | | 30 | | |
| 812 | **Rak jamy nosowo-gardłowej** - analiza 9 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 640 | | | 30 | | |
| 813 | **Rak trzustki** - analiza 8 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 640 | | | 30 | | |
| 814 | **Rak pęcherza moczowego**- analiza 8 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 640 | | | 30 | | |
| 815 | **Rak tarczycy** - analiza 7genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 640 | | | 30 | | |
| 816 | **Nowotwór zarodkowy jądra** – analiza 6 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 640 | | | 30 | | |
| 817 | **Rak żołądka**- analiza 5 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 530 | | | 30 | | |
| 818 | **Rak jajnika-** analiza 5 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 530 | | | 30 | | |
| 819 | **Nowotwór kości –** analiza 3 genów odpowiedzialnych za rozwój nowotworu | | NGS | | | 2 530 | | | 30 | | |